

2. Primeiros Passos

Instalação do R

Os arquivos necessários para instalar o ambiente R estão disponíveis gratuitamente no sítio oficial <http://www.r-project.org/>.

A página oficial do R é a referência básica para seus usuários e desenvolvedores, onde você também encontra instruções de instalação, listas de discussão, tutoriais, documentação e muitas informações úteis.

Iniciando o R

Em ambiente UNIX (como o Linux, por exemplo), podemos iniciar o R a partir do interpretador de comandos (*shell*) digitando o comando R:

```
parsival@jatai $ R
```

Já no sistema MS-Windows, é necessário clicar no ícone apropriado (no desktop) ou buscar o programa a partir do menu **Iniciar**.

Independentemente de como inicia, o R apresenta uma tela com (aproximadamente) a seguinte forma:

```
R version 2.7.0 (2008-04-22)
Copyright (C) 2008 The R Foundation for Statistical Computing
ISBN 3-900051-07-0

R é um software livre e vem sem GARANTIA ALGUMA.
Você pode redistribuí-lo sob certas circunstâncias.
Digite 'license()' ou 'licence()' para detalhes de distribuição.

R é um projeto colaborativo com muitos contribuidores.
Digite 'contributors()' para obter mais informações e
'citation()' para saber como citar o R ou pacotes do R em publicações.

Digite 'demo()' para demonstrações, 'help()' para o sistema on-line de
ajuda,
ou 'help.start()' para abrir o sistema de ajuda em HTML no seu navegador.
Digite 'q()' para sair do R.

[Área de trabalho anterior carregada]

>
```

A Linha de Comando

O R é uma linguagem interativa, ou seja, que permite ao usuário enviar um comando por vez e receber o resultado¹⁾. Para isso, usamos a linha de comando, que tem o sinal ">" quando o R está pronto para receber um comando.

Os outros dois estados da linha de comando são o de execução e o de espera para a conclusão do comando. No modo de execução não é exibido nenhum sinal e não é possível digitar outro comando. Você só perceberá isso se der um comando que tenha um tempo de execução muito longo.

O estado de espera ocorre quando o usuário envia um comando incompleto, o que é indicado por um sinal de "+":

```
>  
> log(2  
+ )  
[1] 0.6931472  
>
```

Na primeira linha, não fechamos os parênteses da função `log` e demos *enter*. O R responde com o sinal de espera (+), indicando que o comando está incompleto. Digitando o parêntese que falta e apertando a tecla *enter* novamente o R retorna o resultado do comando, precedido de um índice numérico.²⁾

Sintaxe Básica dos Comandos

Um comando no R em geral inclui uma ou mais funções, que seguem a seguinte sintaxe:

```
função(argumento1 = valor, argumento2 = valor , ...)
```

Como nos exemplos abaixo:

```
> plot(x=area,y=riqueza)  
> plot(area, riqueza)  
> plot(area,riqueza,xlab="Área (ha)", ylab="Riqueza")
```

- No primeiro caso, o valor de cada argumento usado está explicitado. O argumento `x` da função `plot` é a variável independente, e o argumento `y` é a variável dependente.
- Se o nome dos argumentos é omitido, como no segundo caso, o R usa o critério de posição: o primeiro valor é atribuído ao primeiro argumento, o segundo valor ao segundo argumento, e assim por diante. Como os dois primeiros argumentos da função `plot` são `x` e `y`, o segundo comando acima equivale ao primeiro.
- Os dois critérios podem ser combinados, como no terceiro comando: como `x` e `y` são os dois primeiros argumentos, não é preciso declará-los. Como os outros dois argumentos que se deseja usar (`xlab` e `ylab`) não vêm em seguida, é preciso declará-los.

Mais detalhes na [seção sobre funções](#).

Criação de Objetos: Atribuição

Você pode “guardar” o resultado de um comando com a operação de *atribuição*, que tem a sintaxe:

```
objeto recebe valor
```

Há dois operadores que atribuem valores a um objeto dessa maneira:

- Sinal de menor seguido de hífen, formando uma seta para a esquerda: <-
- Sinal de igual: =

Uma forma de atribuição menos usada é:

```
valor atribuído a objeto
```

Nesse caso, o sinal de atribuição é o hífen seguido de sinal de maior, formando uma seta para direita: ->

Há, portanto, três maneiras de guardar os resultados de um comando em um objeto:

```
> a <- sqrt(4)
> b = sqrt(4)
> sqrt(4) -> c
```

Para exibir o conteúdo de um objeto, basta digitar seu nome

```
> a
[1] 2
> b
[1] 2
> c
[1] 2
```

Se a atribuição é para um objeto que não existe, esse objeto é criado. **Mas cuidado:** se já há um objeto com o mesmo nome na sua área de trabalho, seus valores serão substituídos:

```
> a <- sqrt(4)
> a
[1] 2
> a <- 10^2
> a
[1] 100
```

Mensagens de Erro e de Avisos

Como em qualquer linguagem, o R tem regras de sintaxe e grafia. Mas contrário das linguagens humanas, mesmo um pequeno erro torna a mensagem incompreensível para o R, que então retorna uma mensagem de erro:

```
> logaritmo(2)
Erro: não foi possível encontrar a função "logaritmo"
> log(2)
Erro: unexpected ')' in "log(2)"
> log(2, base=10)
Erro: unused argument(s) (base = 10)
> log(2, base=10)
[1] 0.30103
```

Em outros casos, o comando pode ser executado, mas com um resultado que possivelmente você não desejava. O R cria mensagens de alerta para os casos mais comuns desses resultados que merecem atenção :

```
> log(-2)
[1] NaN
Warning message:
In log(-2) : NaNs produzidos
```

Para Sair

Para sair do R, a forma mais fácil é usar o comando `q` (do inglês *quit*). Nesse caso o R, lhe pergunta se você deseja *salvar* (gravar) sua sessão de trabalho.

```
> q()
Save workspace image? [y/n/c]:
```

As opções são: `y` = yes, `n` = no, `c` = cancel.

Como o R Guarda os Dados?

O que significa a pergunta feita quando damos o comando `q()`?

A resposta passa por três conceitos importantíssimos, que são o **diretório de trabalho**, a **sessão** e a **área virtual de trabalho (workspace)**.

Cada vez que você inicia o R, dizemos que se inicia uma **sessão**.

O diretório a partir do qual você iniciou o R é o **diretório de trabalho** dessa sessão. Para verificar seu diretório de trabalho, use o comando `getwd`³⁾:

```
> getwd()
[1] "/home/paulo/work/Pos_grad/Eco_USP/cursorR"
```

Para alterar o diretório de trabalho há a função `setwd`:

```
> setwd("/home/paulo/work/treinos_R/")
> getwd()
```

```
[1] "/home/paulo/work/treinos_R"
```

A sessão iniciada está ligada a uma área de trabalho particular chamada de **workspace**.

Tudo o que você faz durante uma sessão (leitura de dados, cálculos, análises estatísticas) é realizado no **workspace**.

Mas o **workspace permanece na memória do computador**. Somente quando você dá o comando de sair (`q()`) é que o R lhe pergunta se você deseja **gravar** o seu **workspace**. Se você responde 'y', o R grava um arquivo chamado `.RData`⁴ em seu **diretório de trabalho**. Na próxima vez que o R for chamado desse diretório, o conteúdo do arquivo `.RData` será carregado para o "workspace".

Aprenda este Comando para Não Perder Seu Trabalho

Se acontecer do computador ser desligado durante uma sessão do R, tudo que foi feito será perdido!!! Para evitar isso, é interessante gravar com frequência o **workspace** utilizando o comando `'save.image()'`:

```
> save.image()  
>
```

Por *default*, o R gravará o workspace no arquivo `.RData`, e quando você reiniciar uma sessão, o R automaticamente **carrega** esse arquivo. Mas você pode salvar em outro arquivo utilizando o **argumento** `file` da função:

```
> save.image(file="minha-sessao-introductoria.RData")  
>
```

Como o R carrega automaticamente apenas o arquivo `.RData` que está no diretório de trabalho, caso deseje carregar outros arquivos você deverá usar a função `load`:

```
># Carrega um arquivo de workspace no mesmo diretório  
> load(file="minha-sessao-introductoria.RData")  
># Carrega o arquivo default de workspace de outro diretório:  
> load(file="/home/paulo/work/treinos_R/.RData")
```

No código acima podemos ver o símbolo `"#"` seguido de comentários que explicam o que a função está fazendo. Quando você coloca `"#"`, o R irá ignorar o que vem depois do símbolo na linha. Ou seja, se você copiar uma linha começando com `"#"` no console e pedir para o R executar a mesma, não vai acontecer nada. Este símbolo é muito útil para comentar o seu código.

Se você quiser salvar apenas alguns objetos (digamos, os resultados das suas análises), você pode usar o comando `save`:

```
> save(modelo1, file="meu_modelo.RData")  
> save(dados, modelo1, modelo2, file="meus_modelos.RData")
```

Tome cuidado com a sintaxe do comando `save`: ele aceita o nome de vários objetos que existem no seu workspace e um nome de arquivo, que deve ser passado com `file=`.

O comando `save` aceita o resultado de outros comandos. Por exemplo, o código abaixo equivale ao comando `save.image()`:

```
> save (list=ls()), file="tudo.RData")
```

Aprenda este Procedimento para Organizar Seu Trabalho

Crie um diretório de trabalho para cada análise, ou mesmo para versões diferentes da mesma análise, e chame o R desse diretório. Fazendo isso você recupera seu trabalho de maneira simples, bastando salvar as alterações regularmente com o comando `save.image()` e confirmar a gravação das alterações ao encerrar a sessão.

Ao contrário do que você pode estar acostumado(a), não é uma boa idéia manter vários arquivos com diferentes versões dos dados ou análises em um mesmo diretório. Os usuários de R em geral mantêm o padrão da linguagem, de um único arquivo *default* por análise, o `.RData`, criando quantos diretórios forem necessários para organizar o trabalho.

Gerenciando a Área de Trabalho

Listando Objetos

O comando `ls` lista todo o conteúdo da área de trabalho, se não é fornecido argumento:

```
> ls()
[1] "consoantes" "CONSOANTES" "vogais" "VOGAIS"
```

A função `ls` possui argumentos que podem refinar seus resultados, consulte a ajuda para os detalhes.

Apagando Objetos

O comando `rm` apaga objetos da área de trabalho:

```
> ls()
[1] "consoantes" "CONSOANTES" "vogais"      "VOGAIS"
> rm(consoantes)
> ls()
[1] "CONSOANTES" "vogais"      "VOGAIS"
```

Consulte a ajuda da função `rm` para seus argumentos.

Exercícios

2.1. Exercício para Usuários Windows: Diretório de Trabalho

1. Crie um diretório para seus exercícios da disciplina.
2. Chame o R, clicando no ícone da área de trabalho ou na barra de tarefas.
3. Verifique o seu diretório de trabalho.
4. Mude o diretório de trabalho para o diretório que você criou.
5. Verifique o conteúdo da área de trabalho.
6. Carregue o arquivo [letras.RData](#) ([apagar extensão .pdf](#)).
7. Verifique novamente sua área de trabalho.
8. Saia do R, tomando o cuidado de salvar sua área de trabalho.
9. Repita os passos 2 a 5.

Pergunta: Que problemas você percebeu? Há uma maneira de iniciar o R no windows que evite esses problemas?

Como Conseguir Ajuda no R

No R é essencial aprender a procurar auxílio e manuais sozinho. Após um aprendizado inicial, não há meio de evoluir no conhecimento do ambiente R se não se buscar os **helps** que ele possui.

O Comando "help"

Para conseguir ajuda sobre um comando pode ser usada a função `help`:

```
> help(mean)
```

ou então o operador de ajuda que é o sinal de interrogação '?':

```
?mean
```

No caso se buscar ajuda sobre um **operador** (símbolo para operações aritméticas e algébricas) devemos utilizar as aspas duplas:

```
> help("+")  
> ?"*"
```

Ao utilizar esses comandos (`help` e `?`) o R abre uma página hipertexto no seu navegador, contendo as informações de ajuda para o tema solicitado (função ou operador).

Help no terminal ou linha de comando do prompt

Caso esteja rodando o R diretamente no shell ou no prompt do windows, ao rodar a função `help` ele entrará no modo **help interativo**.

Essa **help page** pode ser examinada usando os seguintes comandos de teclado:

- tecla de espaço = um página para frente;
- tecla "f" = uma página para frente;
- tecla "b" = uma página para trás;
- tecla enter = uma linha para frente;
- tecla j = uma linha para frente;
- tecla k = uma linha para trás;
- tecla q = sai do modo **help interativo** e retorna à linha de comando.

No modo **help interativo** também é possível se fazer uma busca por uma palavra (*string*) usando a tecla '/', na forma:

```
/string
```

Executado um comando de busca temos dois novos comandos válidos:

- tecla n = próxima string, e
- tecla N = string anterior.

A Tela de Ajuda

O conteúdo do **help** pode parecer árido à primeira vista, mas é extremamente informativo, assim que nos acostumamos com ele. As seções são padronizadas, e seguem sempre a mesma ordem:

- Um cabeçalho com o nome da função, o pacote do R à qual pertence, e a classe do documento de ajuda
- O nome completo da função
- A sintaxe da função, que pode estar especificada para diferentes tipos de dados ou métodos
- A explicação de cada um dos argumentos da função
- O valor retornado pela função
- Referências bibliográficas
- Indicação de outras funções relacionadas
- Exemplos (colar esses comandos no R é uma das melhores maneiras de entender uma função).

Abaixo o conteúdo da ajuda para a função "mean":

```
mean                                package:base                        R Documentation

Arithmetic Mean

Description:

  Generic function for the (trimmed) arithmetic mean.

Usage:

  mean(x, ...)
```



```
## Default S3 method:  
mean(x, trim = 0, na.rm = FALSE, ...)
```

Arguments:

x: An R object. Currently there are methods for numeric data frames, numeric vectors and dates. A complex vector